

対面形式 &
WEB(LIVE)
配信

久留米大学

バイオ統計センター 公開セミナー

江村 剛志 (バイオ統計センター 准教授)

複数の生存エンドポイントの同時解析

—フレイルティ・コピュラモデリング—

医学・生物学関連データベースには、患者の生存期間、無増悪期間、腫瘍径、遺伝子発現量など患者の極めて詳細な情報が記録されている。加えて、複数のデータソースを統合して解析する「メタ分析」の重要性が高まり、複雑かつ膨大な生存期間データを古典的な生存時間解析法だけで解析することは不十分になりつつある。

本発表では、コピュラを用いて2つの生存期間アウトカムを同時モデリングする手法について概説する。モデルの実践的な有用性を示すため、より具体的に患者の生存期間と無増悪期間の相関をコピュラでモデル化する手法を考える。また複数のデータソースを統合して、患者の生存期間と術後無増悪期間を同時解析する「メタ分析」法のためのフレイルティモデルを提案する。生存期間と無増悪期間が半競合リスク関係にあることを考慮する必要性を解説する。最後に、個別医療の問題に関連した応用例の一つとして、遺伝子発現量と増悪情報を用いて死亡率の動的予測を行う手法を提案する。

キーワード: 遺伝子発現量, 個別医療, 競合リスク, 動的予測, 臨床試験, Cox 比例, ハザードモデル

2021年4月15日 木 18:00-19:30

久留米大学 バイオ統計センター コンピュータ室(医学部B棟7階)

WEB
申込方法

下記メールアドレスへ、件名「4/15公開セミナー受講希望」、メール内容に氏名、所属、職名をご記入の上、前日までにお申し込みください。お申込みメール返信でWEB配信URLをお送りします。ZOOMでLIVE配信のみ行います。入室の際、ZOOM表示名は、申込み氏名(漢字、ひらがな、カタカナ、ローマ字)と同一にしてください。お申込み者と確認できない場合、受講をご遠慮いただきます。対面形式への参加はお申込み不要です。

WEB配信お申込み
お問い合わせ

久留米大学バイオ統計センター公開セミナー係

✉ biostat_seminar@med.Kurume-u.ac.jp